

Run Summary

SequenceServer 3.1.3 using BLASTN 2.16.0+, query submitted on 2024-10-29 04:07:35 UTC

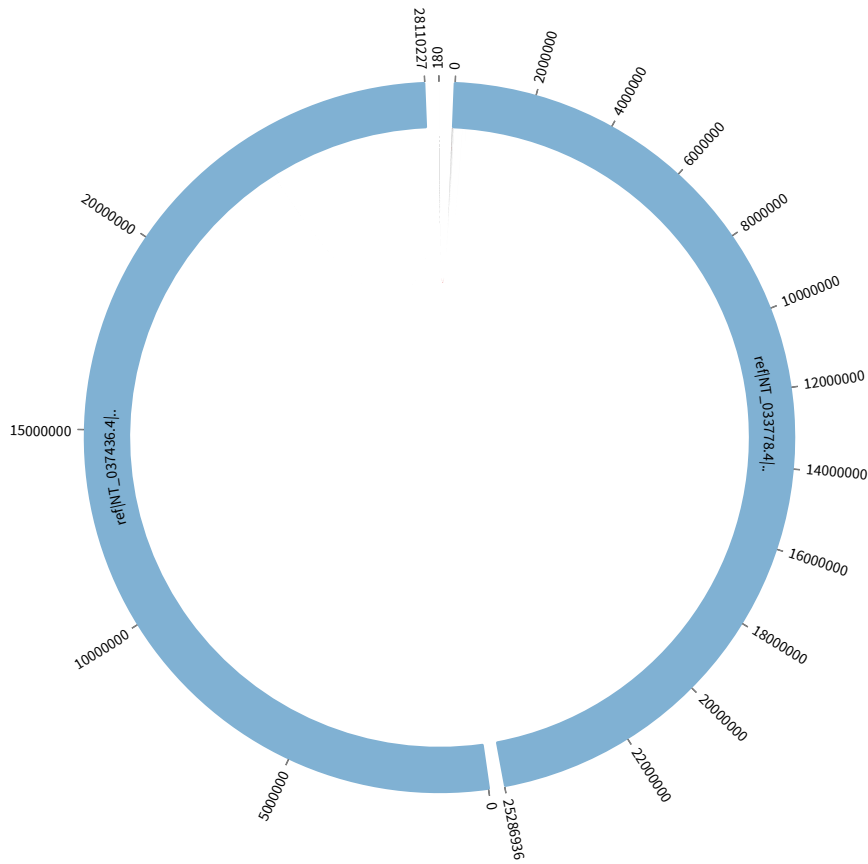
Databases: Hereis assembly one 2022-04 , sequencesserver-5 hits (898 sequences, 110886216 characters)

Parameters: task megablast, evaluate 1e-20, max_target_seqs 50, sc-match 1, sc-mismatch -2, gap-open 0, gap-extend 0, filter L;m;

Please cite: <https://doi.org/10.1093/molbev/msz185>

Graphical Overview

Chord diagram of queries and their top hits



Alignment Results

Query= Query_1

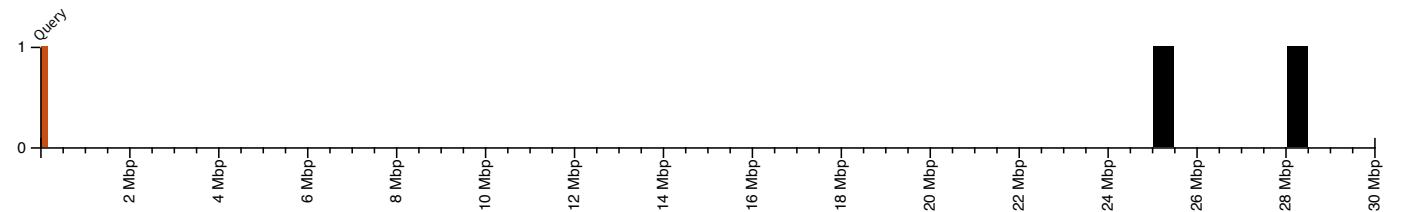
Length: 180

Graphical overview of aligning hit sequences to the query



Length distribution of matching hit sequences

Stronger hits (black bar) Weaker hits (orange bar)



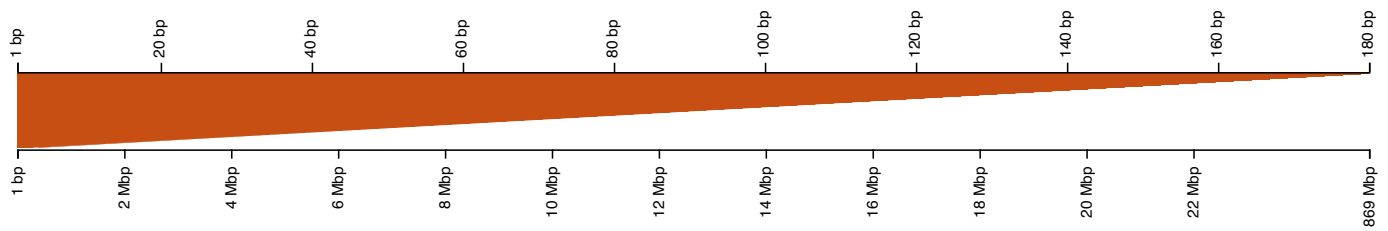
Hit sequences producing significant alignments

#	Similar sequences	Query coverage (%)	Total score	E value	Identity (%)
1.	ref NT_033778.4 Drosophila melanogaster chromosome 2R	100	20871	6.91×10^{-91}	100%
2.	ref NT_037436.4 Drosophila melanogaster chromosome 3L	100	819	1.51×10^{-82}	97.2%

[ref|NT_033778.4| Drosophila melanogaster chromosome 2R](#)

Hit 1. Length: 25,286,936

Graphical overview of aligning region(s)



a. Score: 333.52 (180), E value: 6.91×10^{-91} , Identity: 180/180 (100%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 103
      |
Subject 121 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 223
Query 104 ACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |
Subject 224 ACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 300
```

b. Score: 322.44 (174), E value: 1.49×10^{-87} , Identity: 178/180 (98.9%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 101
      |
Subject 1401 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 1501
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |
Subject 1502 GAACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 1580
```

c. Score: 322.44 (174), E value: 1.49×10^{-87} , Identity: 178/180 (98.9%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 101
      |
Subject 7197 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 7297
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |
Subject 7298 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 7376
```

d. Score: 316.90 (171), E value: 6.96×10^{-86} , Identity: 177/180 (98.3%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 103
      |
Subject 471 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 573
Query 104 ACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |
Subject 574 ACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATAATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 650
```

e. Score: 316.90 (171), E value: 6.96×10^{-86} , Identity: 177/180 (98.3%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 101
      |
Subject 1867 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 1967
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |
Subject 1968 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2046
```

f. Score: 316.90 (171), E value: 6.96×10^{-86} , Identity: 177/180 (98.3%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 101
      |
Subject 8726 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 8826
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |
Subject 8827 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 8905
```

g. Score: 316.90 (171), E value: 6.96×10^{-86} , Identity: 177/180 (98.3%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 101
      |
Subject 9076 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 9176
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |
Subject 9177 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATAATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 9255
```

h. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10^{-84} , Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 101
      |
Subject 1051 AAGTACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAATCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAGT 1151
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |
Subject 1152 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 1230
```

i. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10^{-84} , Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 3265 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 3365
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 3366 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 3444

j. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10⁻⁸⁴, Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 5435 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 5535
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 5536 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 5614

k. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10⁻⁸⁴, Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 6018 AAGGCACCTTCTAGAGATTCTGTTTAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 6118
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 6119 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 6197

l. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10⁻⁸⁴, Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 6251 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 6351
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 6352 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 6430

m. Score: 305.82 (165), E value: 1.51×10⁻⁸², Identity: 176/181 (97.2%), Gaps: 1/181 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTA-AGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 100
|||||
Subject 2332 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 2432
Query 101 AGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 2433 AGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2512

n. Score: 305.82 (165), E value: 1.51×10⁻⁸², Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 2799 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 2899
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 2900 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2978

o. Score: 303.97 (164), E value: 5.41×10⁻⁸², Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 99
|||||
Subject 21158 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 21256
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 21257 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAATTTATGTC 21336

p. Score: 303.97 (164), E value: 5.41×10⁻⁸², Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 99
|||||
Subject 23212 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 23310
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 23311 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAATTTATGTC 23390

q. Score: 300.28 (162), E value: 7.00×10⁻⁸¹, Identity: 174/180 (96.7%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 1634 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 1734
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 1735 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTACTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 1813

r. Score: 300.28 (162), E value: 7.00×10⁻⁸¹, Identity: 174/180 (96.7%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||

Subject 2566 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCTAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 2666
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 2667 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2745

s. Score: 296.58 (160), E value: 9.06×10^{-80} , Identity: 170/175 (97.1%), Gaps: 0/175 (0%), Strand: + / +

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 106
|||||
Subject 8264 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 8364
Query 107 AGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 8365 AGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTACTAAGTTATGTC 8438

t. Score: 294.74 (159), E value: 3.26×10^{-79} , Identity: 173/180 (96.1%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 2100 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAACAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 2200
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 2201 GTACCAGACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2279

u. Score: 294.74 (159), E value: 3.26×10^{-79} , Identity: 173/180 (96.1%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 5668 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAACAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 5768
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 5769 GTACCAGACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 5847

v. Score: 291.04 (157), E value: 4.22×10^{-78} , Identity: 165/169 (97.6%), Gaps: 0/169 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 109
|||||
Subject 20274 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 20372
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 179
||
Subject 20373 CACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 20442

w. Score: 289.20 (156), E value: 1.52×10^{-77} , Identity: 169/175 (96.6%), Gaps: 1/175 (0.6%), Strand: + / +

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 108
|||||
Subject 824 ACCTTCTAGATATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 926
Query 109 ACAACAGAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 927 ACAACAGAGAAGATACCTTCTACAGATTA-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 997

x. Score: 289.20 (156), E value: 1.52×10^{-77} , Identity: 172/180 (95.6%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 3032 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCTAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 3132
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 3133 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTACTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 3211

y. Score: 289.20 (156), E value: 1.52×10^{-77} , Identity: 169/175 (96.6%), Gaps: 1/175 (0.6%), Strand: + / +

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 106
|||||
Subject 9429 ACCTTCTAGATATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 9529
Query 107 AGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 9530 AGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTA-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 9602

z. Score: 281.81 (152), E value: 2.54×10^{-75} , Identity: 171/180 (95%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 4624 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 4724
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 4725 GTACCAGACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 4802

aa. Score: 281.81 (152), E value: 2.54×10^{-75} , Identity: 164/170 (96.5%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 109
|||||
Subject 18810 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGTCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 18908
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180

Subject 18909 CACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 18979

ab. Score: 281.81 (152), E value: 2.54×10⁻⁷⁵, Identity: 162/167 (97%), Gaps: 0/167 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 109
|||||
Subject 20851 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 20949
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||
Subject 20950 CACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 21017

ac. Score: 281.81 (152), E value: 2.54×10⁻⁷⁵, Identity: 164/170 (96.5%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / -

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 109
|||||
Subject 26968 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 26870
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 26869 CAAACAGAAGATACCTTTTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAATTTATGTC 26799

ad. Score: 278.12 (150), E value: 3.28×10⁻⁷⁴, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 38866 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTAAATTTTACGATTTC 38768
Query 100 AAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 38767 AAGTACCTGACAAACAGAAAGATACCTTCAACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 38687

ae. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10⁻⁷³, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 22060 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTAAATTTTCCGATTTC 22158
Query 100 AAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 22159 AAGTACCAGACACACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTC 22238

af. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10⁻⁷³, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 22617 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 22715
Query 100 AAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 22716 AAGTACCAGACACACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTC 22795

ag. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10⁻⁷³, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 23561 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 23659
Query 100 AAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 23660 AAGTACCAGACACACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTC 23739

ah. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10⁻⁷³, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 24118 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 24216
Query 100 AAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 24217 AAGTACCAGACACACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTC 24296

ai. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10⁻⁷³, Identity: 163/170 (95.9%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / -

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 109
|||||
Subject 32204 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 32106
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 32105 CAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAATTTATGTC 32035

aj. Score: 272.58 (147), E value: 1.53×10⁻⁷², Identity: 169/180 (93.9%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 3498 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAACAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 3598
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 3599 GTACCAGACACACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAAGCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTC 3677

ak. Score: 272.58 (147), E value: 1.53×10^{-72} , Identity: 169/180 (93.9%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 6964 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTTAA 7064
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 7065 GTACCATACACAAAAGATACCTTCTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 7143

al. Score: 268.88 (145), E value: 1.98×10^{-71} , Identity: 162/170 (95.3%), Gaps: 1/170 (0.6%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 109
|||||
Subject 18469 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 18567
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 18568 CACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 18637

am. Score: 257.81 (139), E value: 4.28×10^{-68} , Identity: 143/145 (98.6%), Gaps: 0/145 (0%), Strand: + / +

Query 36 CAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTA 136
|||||
Subject 6766 CAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTA 6866
Query 137 TTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 6867 TTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 6910

an. Score: 254.11 (137), E value: 5.53×10^{-67} , Identity: 159/170 (93.5%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 109
|||||
Subject 17630 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTATACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 17728
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 17729 TAAACAGAAGATACTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTTCACAAAAACAATAAATTGCCTAAGTTATGTC 17799

ao. Score: 252.26 (136), E value: 1.99×10^{-66} , Identity: 142/145 (97.9%), Gaps: 0/145 (0%), Strand: + / +

Query 36 CAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTA 136
|||||
Subject 7480 CAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAACTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTA 7580
Query 137 TTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 7581 TTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 7624

ap. Score: 252.26 (136), E value: 1.99×10^{-66} , Identity: 163/176 (92.6%), Gaps: 2/176 (1.1%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 99
|||||
Subject 54234 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCACATTTCC 54136
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 54135 AAGTACCAGGCGAACAGAAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTACGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT 54060

aq. Score: 252.26 (136), E value: 1.99×10^{-66} , Identity: 161/173 (93.1%), Gaps: 1/173 (0.6%), Strand: + / -

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTT-ACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 397993 ACCTTCTACAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTGCATTTTAAAGCGGTCAAATGGGGGATTTTCCGATTTTAA 397897
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 397896 GTACCAGGCGAACAGAAGATACCTTCTACTGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAAGTTGACTAAGTTAT 397821

ar. Score: 250.42 (135), E value: 7.15×10^{-66} , Identity: 165/180 (91.7%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 7678 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGTTACGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAATGGGTAAATTTACGATTTCCGA 7778
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 7779 GTACAAAGCGAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 7857

as. Score: 248.57 (134), E value: 2.57×10^{-65} , Identity: 158/170 (92.9%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 109
|||||
Subject 10675 CTAGAGATTCTGTTCAACTGATAAGCAAGAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAAAACCGA 10773
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 10774 TGAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACATTAATTGACTAAGTTATGTC 10844

at. Score: 248.57 (134), E value: 2.57×10^{-65} , Identity: 158/170 (92.9%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 109
|||||
Subject 13550 CTAGAGATTCTGTTCAACTGATAAGCAAGAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAAAACCAGA 13648
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 13649 TGAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACATTAATTGACTAAGTTATGTC 13719

au. Score: 248.57 (134), E value: 2.57×10⁻⁶⁵, Identity: 165/180 (91.7%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 15485 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTGAAAATGGGTGAATTTGCGATTTTC 15583
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 15584 AAGTAATAGACGAAGTGGAGGTACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGA-TAAATTATGTC 15663

av. Score: 241.19 (130), E value: 4.31×10⁻⁶³, Identity: 161/176 (91.5%), Gaps: 2/176 (1.1%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 8027 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACATTTTAAATCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 8127
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 8128 GTACCAGCGCAACAGAAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAAC-TGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT 8201

aw. Score: 239.34 (129), E value: 1.55×10⁻⁶², Identity: 165/182 (90.7%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 5784 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGATACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 5883
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 5884 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 5964

ax. Score: 239.34 (129), E value: 1.55×10⁻⁶², Identity: 163/180 (90.6%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 11015 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGTTACGCAAAAACAGTAAAGTTGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAAAATGGGTAAATTTACGATTTTC 11113
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 11114 GAGTACAAAGCGCAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTAAATGTC 11194

ay. Score: 237.49 (128), E value: 5.57×10⁻⁶², Identity: 162/179 (90.5%), Gaps: 0/179 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 33322 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAAATGAGTGATTTTCCGATTTTC 33224
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 179
|||||
Subject 33223 AAGTTATAGCGCAACTGAAGATACCTTCTACAGAATATTTAAATCTGGTACACAAAAACAATAAATTGAAAATGTTATGTC 33144

az. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10⁻⁶¹, Identity: 164/182 (90.1%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 6367 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGATACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 6466
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 6467 ATGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 6547

ba. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10⁻⁶¹, Identity: 164/182 (90.1%), Gaps: 4/182 (2.2%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 7794 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTAAATGTCATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 7893
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 7894 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 7973

bb. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10⁻⁶¹, Identity: 164/182 (90.1%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 8375 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTACTAAGTTATGTCATTTTAAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 8474
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 8475 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAAGAAATGACTAATTTATGTC 8555

bc. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10⁻⁶¹, Identity: 165/183 (90.2%), Gaps: 5/183 (2.7%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 98
|||||

Subject 8492 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAAGAAATTGACTAA-TTTATGTCTATTTAAGCGGTCAAATGGGTGAATTTCCGATT 8590
Query 99 CAAGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 8591 CAAGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 8672

bd. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10^{-61} , Identity: 164/182 (90.1%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 38633 AAGATACCTTCTACAGAATAT-TTAAATCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 38536
Query 98 TCAAGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 38535 TCAAGTACCTGACAAACAGAAGATACCTTCAACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 38453

be. Score: 230.10 (124), E value: 9.32×10^{-60} , Identity: 159/176 (90.3%), Gaps: 2/176 (1.1%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 8143 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCAAATTA 8243
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 8244 GTACCAGACAAACAGAAAATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAAC-TGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTGAGTT 8317

bf. Score: 230.10 (124), E value: 9.32×10^{-60} , Identity: 160/177 (90.4%), Gaps: 3/177 (1.7%), Strand: + / -

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 102
|||||
Subject 38394 ACCTTCTACAGAATAT-TTAAATCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 38297
Query 103 TACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 38296 TACCTGACAAACAGAAGATACCTTCAACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 38219

bg. Score: 228.26 (123), E value: 3.35×10^{-59} , Identity: 163/182 (89.6%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 17736 AAGATAACTACTAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGCCTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 17833
Query 98 TCAAGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 17834 TCAAGTACCAGACACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 17916

bh. Score: 224.56 (121), E value: 4.34×10^{-58} , Identity: 158/176 (89.8%), Gaps: 2/176 (1.1%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 103
|||||
Subject 703 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCAAATTA 805
Query 104 ACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 806 ACCAGACAAACAGAAAATACCTTCTAGATATTCTGTTCAAC-TGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTGAGTT 877

bi. Score: 224.56 (121), E value: 4.34×10^{-58} , Identity: 158/176 (89.8%), Gaps: 2/176 (1.1%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 9308 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCAAATTA 9408
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 9409 GTACCAGACAAACAGAAAATACCTTCTAGATATTCTGTTCAAC-TGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTGAGTT 9482

bj. Score: 222.72 (120), E value: 1.56×10^{-57} , Identity: 162/182 (89%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 45046 AAGATACCTTCTACAGATGAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGCTT 44949
Query 98 TCAAGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 44948 TCAAGTACCAGACAAAGAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 44866

bk. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10^{-56} , Identity: 156/175 (89.1%), Gaps: 1/175 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 15717 AAGATACCTACTAAGATTATTTAAACTGGTACACAAAAACAATAAATTGCCTAAG-TTGTCATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGCTTC 15814
Query 100 AAGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 15815 AAGTACCAGATAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAGTAAATTCCTAAGTT 15890

bl. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10^{-56} , Identity: 161/182 (88.5%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 19916 AAGATACCTACTAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 20013
Query 98 TCAAGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180

|||||
Subject 20014 TCAAGTACCAGATAAATAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 20096

bm. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10^{-56} , Identity: 161/182 (88.5%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 38165 AAGATACCTTCTACAGAAATAT-TTAAATCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCAATTTAAGCGGTGCAATCGGGTATTTCCGATT 38068
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 38067 TCAAGTACCAGATAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 37985

bn. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10^{-56} , Identity: 160/181 (88.4%), Gaps: 1/181 (0.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 98
|||||
Subject 39100 AAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCAATTTAAGCGGTGCAATCGGGTATTTCCGATT 39002
Query 99 CAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 39001 CAAGTACCAGATAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 38920

bo. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10^{-56} , Identity: 161/180 (89.4%), Gaps: 11/180 (6.1%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 39537 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTACGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 39439
Query 100 AAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 39438 AAGCACCAGACAACAGAAGATACCTTCTACAGAT-----GGTACACAAAAACAATAAATTGAAAAAGTTATGTC 39369

bp. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10^{-56} , Identity: 160/181 (88.4%), Gaps: 1/181 (0.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 98
|||||
Subject 39771 AAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCAATTTAAGCGGTGCAATCGGGTATTTCCGATT 39673
Query 99 CAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 39672 CAAGTACCAGATAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 39591

bq. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10^{-56} , Identity: 161/182 (88.5%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 52205 AAGATACCTACTAAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCAATTTAAGCGGTGCAATCGGGTATTTCCGATT 52108
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 52107 TCAAGTACCAGATAAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 52025

br. Score: 215.33 (116), E value: 2.61×10^{-55} , Identity: 160/181 (88.4%), Gaps: 3/181 (1.7%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 52899 AAGATACCTACTAAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 52802
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 179
|||||
Subject 52801 TCAAGTACCAGATAAACAGGAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGGTATGT 52720

bs. Score: 211.64 (114), E value: 3.38×10^{-54} , Identity: 161/183 (88%), Gaps: 6/183 (3.3%), Strand: + / +

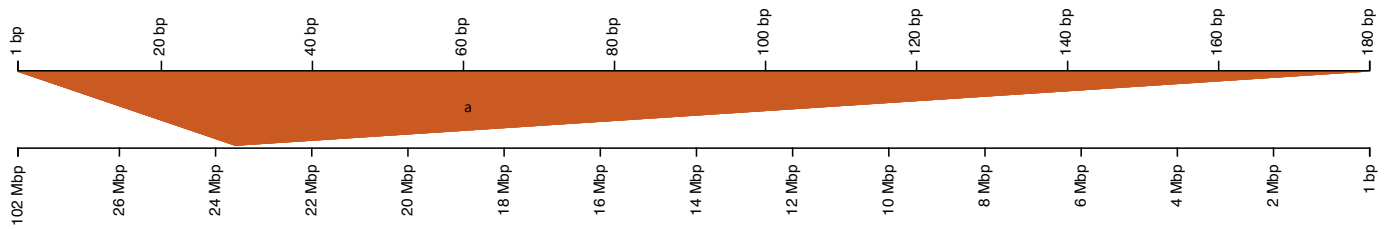
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCA-AAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 98
|||||
Subject 4740 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGT-A-CAGAAAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTCATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 4837
Query 99 CAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 4838 CAAATACCAGATAAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 4919

bt. Score: 211.64 (114), E value: 3.38×10^{-54} , Identity: 160/182 (87.9%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 10231 AAGATACCTACTAAAGATTAT-TTAAATCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCAATTTAAGCGGTGCAATCGGGTATTTCCGATT 10328
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 10329 TCAAGTACCAGATAAACAGGAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 10411

bu. Score: 211.64 (114), E value: 3.38×10^{-54} , Identity: 160/182 (87.9%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 11362 AAGATACCTTCTACAGATGAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCAATTTAAGCGGTGCAATGAGTATTTCCGATT 11459
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 11460 TCAAGTACCAGATAAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGT 11542



a. Score: 305.82 (165), E value: 1.51×10^{-82} , Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

```
Query      1  AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCC  93
          |
Subject 23571974 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCC 23571882
Query      94  GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTC  180
          |
Subject 23571881 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTAGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTC 23571795
```

b. Score: 305.82 (165), E value: 1.51×10^{-82} , Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

```
Query      1  AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCC  93
          |
Subject 23572205 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGAGTGATTTTCC 23572113
Query      94  GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTC  180
          |
Subject 23572112 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTC 23572026
```

c. Score: 283.66 (153), E value: 7.05×10^{-76} , Identity: 171/180 (95%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

```
Query      1  AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCC  93
          |
Subject 23572676 AAGACACCTTCTGGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTAATTTTCC 23572584
Query      94  GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTC  180
          |
Subject 23572583 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACATTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAACAATAAATGACTAAGTTATGTC 23572497
```

d. Score: 278.12 (150), E value: 3.28×10^{-74} , Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

```
Query      1  AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCC  93
          |
Subject 23572909 AAGACACCTTCTGGAGATTCTGATCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTAATTTTCC 23572817
Query      94  GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTC  180
          |
Subject 23572816 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACATTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAACAATAAATGACTAAGTTATGTC 23572730
```

e. Score: 206.10 (111), E value: 1.57×10^{-52} , Identity: 117/120 (97.5%), Gaps: 0/120 (0%), Strand: + / -

```
Query      1  AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCC  93
          |
Subject 23572443 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCC 23572351
Query      94  GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGA  120
          |
Subject 23572350 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGA 23572324
```

f. Score: 139.62 (75), E value: 1.62×10^{-32} , Identity: 79/81 (97.5%), Gaps: 0/81 (0%), Strand: + / -

```
Query      1  AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAT  81
          |
Subject 23571741 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAATCGGTCAAAT 23571661
```